
教育经历:

2006/9—2010/6 苏州大学 生命科学学院生物信息专业 学士
2010/9—2013/6 苏州大学 系统生物研究中心生物信息专业 硕士

科研培训:

2012/5 Spotfire 软件（预知、分析数据异常变化并绘制详细直观报表）培训
2011/7—2012/10 美国芝加哥大学遗传与进化系终身教授龙漫远教授系列讲座培训

专业技能:

编程语言: Perl, C,

操作系统: Linux, Windows, Server

专业技能: MySQL KEGG GeneGO Spotfire

组学高通量数据整合、分析和软件:

下一代测序数据分析

发表文章:

1. Wenyu Zhang, Jijia Chen, Yang Yang, Yifei Tang, Jing Shang, Bairong Shen. A Practical Comparison of De Novo Genome Assembly Software Tools for Next-Generation Sequencing Technologies. **PLoS One**, 2011 6(3): e17915.